

Produktname: Smad2/3 (Acetyl-Lys19) Kaninchen-Polyclonal-Antikörper**Katalog-Nr.: APRab06256**

Nur für Forschungszwecke.

Zusammenfassung

Beschreibung	polyklonaler Kaninchenantikörper
Host	Kaninchen
Anwendung	WB,IHC,ICC/IF
Reaktivität	Mensch, Maus, Ratte
Konjugation	Unkonjugiert
Modifikation	Acetyliert
Isotyp	IgG
Klonalität	Polyklonal
Form	Flüssig
Konzentration	1 mg/ml
Lagerung	Aliquotieren und bei -20°C lagern (12 Monate haltbar).Frost/Tau-Zyklen vermeiden.
Versand	Eisbeutel
Puffer	Flüssigkeit in PBS mit 50 % Glycerin, 0,5 % Schutzprotein und 0,02 % Konservierungsmittel vom neuen Typ N.
Aufreinigung	Affinitätsreinigung

Anwendung

Verdünnungsverhältnis	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:200,ICC/IF 1:50-1:200
Molekulargewicht	60kDa

Antigen-Informationen

Genname	Smad2/3 (Acetyl-Lys19)
Alternative Namen	
Gen-ID	4088/4087
SwissProt ID	Q15796/P84022
Immunogen	Synthetisiertes Peptid, abgeleitet von humanem Smad2/3 (Acetyl-Lys19)

Hintergrund

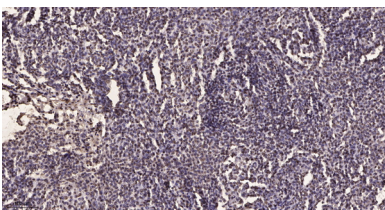
Das von diesem Gen kodierte Protein gehört zur SMAD-Familie, einer Gruppe von Proteinen, die den Genprodukten des

Drosophila-Gens „mothers against decapentaplegic “ (Mad) und des C. elegans-Gens Sma ähneln. SMAD-Proteine sind Signaltransduktoren und Transkriptionsmodulatoren, die verschiedene Signalwege vermitteln. Dieses Protein vermittelt das Signal des transformierenden Wachstumsfaktors (TGF)- β und reguliert somit zahlreiche zelluläre Prozesse wie Zellproliferation, Apoptose und Differenzierung. Es wird durch seine Interaktion mit dem SMAD-Ankerprotein für die Rezeptoraktivierung (SARA) an die TGF- β -Rezeptoren rekrutiert. Als Reaktion auf das TGF- β -Signal wird dieses Protein durch die TGF- β -Rezeptoren phosphoryliert. Die Phosphorylierung führt zur Dissoziation des Proteins von SARA und zur Assoziation mit dem Familienmitglied SMAD4. Die Assoziation mit SMAD4 ist für die Translokationserkrankung wichtig: Defekte in SMAD2 finden sich in sporadischen Fällen von kolorektalem Karzinom. Funktion: Transkriptionsmodulator, der durch TGF- β und die Activin-Typ-1-Rezeptorkinase aktiviert wird. SMAD2 ist ein rezeptorreguliertes SMAD (R-SMAD). Kann als Tumorsuppressor im kolorektalen Karzinom wirken. PTM: Acetylierung an Lys-19 durch Koaktivatoren als Reaktion auf TGF- β -Signalisierung, was die Transkriptionsaktivität erhöht. Kurze Isoform: Die Acetylierung erhöht die DNA-Bindungsaktivität in vitro und verstärkt die Assoziation mit Zielpromotoren in vivo. PTM: Als Reaktion auf TGF- β wird es durch NEDD4L ubiquitiniert, was seinen Abbau fördert. PTM: Phosphorylierung an einem oder mehreren der Aminosäuren Thr-220, Ser-245, Ser-250 und Ser-255. Als Reaktion auf TGF- β wird es an Ser-465/467 durch TGF- β - und Activin-Typ-1-Rezeptorkinasen phosphoryliert. Es kann mit SMURF2 interagieren, wenn es an Ser-465/467 phosphoryliert ist, und rekrutiert andere Proteine, wie z. B. SNON, zum Abbau. Als Reaktion auf Decorin, den natürlich vorkommenden Inhibitor der TGF- β -Signalübertragung, wird es an Ser-240 durch CaMK2 phosphoryliert. Es wird durch MAPK3 nach EGF-Stimulation phosphoryliert; dies erhöht die Transkriptionsaktivität und -stabilität und wird durch Calmodulin blockiert. Ähnlichkeit: Gehört zur Dwarfing/SMAD-Familie. Ähnlichkeit: Enthält eine MH1-Domäne (MAD-Homologie 1). Ähnlichkeit: Enthält eine MH2-Domäne (MAD-Homologie 2). Subzelluläre Lokalisation: Zytoplasmatisch in Abwesenheit von Liganden. Wandert in den Zellkern, wenn es mit SMAD4 komplexiert ist. Untereinheit: Liegt nach Zugabe von TGF- β in einem Komplex mit SMAD3 und TRIM33 vor. Interagiert mit SMAD3 und TRIM33. Interagiert mit SARA (SMAD-Anker für die Rezeptoraktivierung); kann Trimere mit dem SMAD4-Co-SMAD bilden. Interagiert mit FOXH1, dem Homeobox-Protein TGIF, der PEBP2- α -Untereinheit, dem CREB-bindenden Protein (CBP), EP300 und SKI. Interagiert mit SNON, wenn es an Ser-465/467 phosphoryliert ist. Interagiert (über ein PY-Motiv) mit SMURF2. Interagiert mit AIP1 und HGS. Interagiert in Reaktion auf TGF- β mit NEDD4L (aufgrund von Ähnlichkeit). Interagiert mit LBXCOR1 und CORL2. Gewebespezifität: Wird in hoher Konzentration in Skelettmuskulatur, Herz und Plazenta exprimiert.

Forschungsbereich

Signaltransduktion

Bilddaten



Immunohistochemische Analyse von in Paraffin eingebettetem menschlichem Hirntumorgewebe. 1. Der Antikörper wurde 1:200 verdünnt (über Nacht bei 4 °C inkubiert). 2. Zur Antigenrückgewinnung wurde Tris-EDTA (pH 9,0) verwendet. 3. Der Sekundärantikörper wurde 1:200 verdünnt (45 Minuten bei Raumtemperatur inkubiert).